**Mercado Libre**

Mutantes

Ejecución del proyecto

|  |  |  |
| --- | --- | --- |
| **Nombre de quien realiza el documento** | **Correo** | **Versión** |
| Julieth Gil | deisyjuliethgil@gmail.com | 1.0.0 |

Tabla de contenido

[Ejecutar el proyecto en cloud 3](#_Toc72086446)

[Prerrequisitos 3](#_Toc72086447)

[Para saber si es un mutante: 3](#_Toc72086448)

[Para las estadísticas 3](#_Toc72086449)

[Ejecutar localmente el proyecto 4](#_Toc72086450)

[Prerrequisitos: 4](#_Toc72086451)

[Pasos a seguir: 4](#_Toc72086452)

[Para saber si es un mutantes: 5](#_Toc72086453)

[Para las estadísticas 5](#_Toc72086454)

# Ejecutar el proyecto en cloud

Prerrequisitos:

* Url del proyecto:
* Herramienta para consumir api se recomienda Postman <https://www.postman.com/downloads/>

## Para saber si es un mutante:

Url: [url/api/mutants](https://localhost:5001/api/mutants)

Método Post en el body enviar:

{

  "dna": ["ATGA","CAGTGC","TTATGT"]

}

Retorna respuesta estándar HTTP 200 OK en caso de ser mutante de lo contrario 403 Forbidden

## Para las estadísticas

url: [url/api/stats](https://localhost:5001/api/stats)

Get:

Ejemplo de respuesta

{

    "count\_mutant\_dna": 3,

    "count\_human\_dna": 4,

    "ratio": 0.8

}

Adicional la respuesta estándar HTTP 200 OK

# Ejecutar localmente el proyecto

## Prerrequisitos:

* Visual Studio 2019 <https://visualstudio.microsoft.com/es/downloads/>
* Base de datos PostgreSql versión 13 <https://www.postgresql.org/download/>
* Herramienta para consumir api se recomienda Postman <https://www.postman.com/downloads/>
* Solicitar acceso al repositorio de GitHab

## Pasos a seguir:

* Crear una base de datos **guardar el nombre y la contraseña para más adelante.**
* Ejecutar el siguiente script para la creación de la tabla:

CREATE TABLE public.DnaSequences

(

    "Id" integer NOT NULL GENERATED ALWAYS AS IDENTITY ( INCREMENT 1 START 1 MINVALUE 1 ),

    "PersonDna" text NOT NULL,

    "IsMutant" boolean NOT NULL,

    CONSTRAINT DnaSequences\_pkey PRIMARY KEY ("Id"));

ALTER TABLE public.DnaSequences

    OWNER to postgres;

* Descargar el proyecto de GitHab
* Abrir el proyecto en visual studio 2019 y buscar el archivo **appsettings.json** y en la etiqueta “DefaultConnection” colocar el nombre y la contraseña de la base de datos creada anteriormente:



## Para saber si es un mutantes:

Url: <https://localhost:5001/api/mutants>

Metodo Post en el body enviar:

{

  "dna": ["ATGA","CAGTGC","TTATGT"]

}

Retorna respuesta estándar HTTP 200 OK en caso de ser mutante de lo contrario 403 Forbidden

## Para las estadísticas

url: <https://localhost:5001/api/stats>

Get:

Ejemplo de respuesta

{

    "count\_mutant\_dna": 3,

    "count\_human\_dna": 4,

    "ratio": 0.8

}

Adicional la respuesta estándar HTTP 200 OK

# Correr reporte de cobertura de pruebas

En la consola de Package Manager ejecutar los siguientes comandos:

1. dotnet test /p:CollectCoverage=true /p:CoverletOutputFormat=cobertura /p:CoverletOutput='../Documentation/TestCoverage/'

Donde lo señalado es el lugar donde se generará un documento .xml

1. Luego el siguiente comando para generar una pagina que mostrará a detalle la cobertura:

reportgenerator.exe "-reports:Documentation/TestCoverage\coverage.cobertura.xml" "-targetdir:Documentation/TestCoverage\html" "-reporttypes:HTML;"

lo señalado con amarillo debe ser la misma la carpeta donde quedo guardado el archivo con el nombre generado en el primer paso.